

Animal : **Shermin's Myabi**

N° d'identification : **276 095 610 270 142**

Race : **Setter Gordon**

Sexe : **Femelle**

Date de naissance : **31/07/2017**

Résultat établi le : **17/06/2022**

Propriétaire : **Frederic LECOMTE**

N° de prélèvement : **E00803733** (prélevé le 02/06/2022)

Code résultat : **A00003857**

Prélèvement effectué par :
Christophe DELERUE (Vétérinaire - N° d'ordre : 10678)

Document établi le : **21/06/2022**

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Abiotrophie Corticale Cérébelleuse (HA)	RAB24 c.113A>C	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Atrophie Progressive de la Rétine (APR-rcd4)	C2orf71 c.3149_3150insC	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Céroïde-Lipofuscinose Neuronale (NCL-D)	CLN8 c.491T>C	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse (MDR1)	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓

INTERPRÉTATION DU RÉSULTAT
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

EXPRESSION	TRANSMISSION
 L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
 L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.

Animal : **Shermin's Myabi**N° d'identification : **276 095 610 270 142**Race : **Setter Gordon**Sexe : **Femelle**Date de naissance : **31/07/2017**Résultat établi le : **17/06/2022**Propriétaire : **Frederic LECOMTE**N° de prélèvement : **E00803733** (prélevé le 02/06/2022)Code résultat : **A00003857**

Prélèvement effectué par :

Christophe DELERUE (Vétérinaire - N° d'ordre : 10678)Document établi le : **21/06/2022****CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES**

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Poil Bouclé ou Ondulé (c ¹)	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	Non porteur (C/C)
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	Non porteur
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	Faible chute de poils