

Animal : **Pirae de la Vallée de la Thau**

N° d'identification : **250 269 590 073 236**

Race : **Setter Gordon**

Sexe : **Femelle**

Date de naissance : **31/08/2019**

Pedigree :

Résultat établi le : **31/03/2023**

Propriétaire : **Frederic LECOMTE**

N° de prélèvement : **E00844585** (prélevé le 15/03/2023)

Code résultat : **A00030726**

Préleveur : **Christophe DELERUE** (Vétérinaire - N° d'ordre : 10678)

Prélèvement **authentifié**

Document établi le : **31/03/2023**

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Abiotrophie Corticale Cérébelleuse (HA)	RAB24 c.113A>C	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Atrophie Progressive de la Rétine (APR-rcd4)	C2orf71 c.3149_3150insC	Autosomique récessif	Hétérozygote	✓	!
Céroïde-Lipofuscinose Neuronale (NCL-D)	CLN8 c.491T>C	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

EXPRESSION	TRANSMISSION
<p>✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.</p> <p>! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.</p>	<p>L'animal ne transmet pas la mutation testée.</p> <p>L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.</p>

Animal : **Pirae de la Vallée de la Thau**

N° d'identification :	250 269 590 073 236	Propriétaire :	Frederic LECOMTE
Race :	Setter Gordon	N° de prélèvement :	E00844585 (prélevé le 15/03/2023)
Sexe :	Femelle	Code résultat :	A00030726
Date de naissance :	31/08/2019	Préleveur :	Christophe DELERUE (Vétérinaire - N° d'ordre : 10678)
Pedigree :			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	31/03/2023	Document établi le :	31/03/2023

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Poil Bouclé ou Ondulé (c ¹)	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	Non porteur (C/C)
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	Non porteur de polydactylie
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	Faible chute de poils