

Animal : **Themis de la Vallée de Caharel**

N° d'identification : **250 269 610 133 772**

Race : **Setter Gordon**

Sexe : **Femelle**

Date de naissance : **13/04/2022**

Pedigree :

Résultat établi le : **31/03/2023**

Propriétaire : **Frederic LECOMTE**

N° de prélèvement : **E00844584** (prélevé le 15/03/2023)

Code résultat : **A00030728**



Préleveur : **Christophe DELERUE** (Vétérinaire - N° d'ordre : 10678)

Prélèvement **authentifié**

Document établi le : **31/03/2023**

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Abiotrophie Corticale Cérébelleuse (HA)	RAB24 c.113A>C	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Atrophie Progressive de la Rétine (APR-rcd4)	C2orf71 c.3149_3150insC	Autosomique récessif	<b>Hétérozygote</b>	✓	!
Céroïde-Lipofuscinose Neuronale (NCL-D)	CLN8 c.491T>C	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓

EXPLICATIONS
<b>Homozygote normal</b> : l'animal possède 2 copies normales du gène.
<b>Hétérozygote</b> : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
<b>Homozygote muté</b> : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

EXPRESSION	TRANSMISSION
 L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
 L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.

Animal : **Themis de la Vallée de Caharel**

---

N° d'identification :	<b>250 269 610 133 772</b>	Propriétaire :	<b>Frederic LECOMTE</b>
Race :	<b>Setter Gordon</b>	N° de prélèvement :	<b>E00844584</b> (prélevé le 15/03/2023)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00030728</b>
Date de naissance :	<b>13/04/2022</b>	Préleveur :	<b>Christophe DELERUE</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 10678)
Pedigree :			Prélèvement <b>authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>31/03/2023</b>	Document établi le :	<b>31/03/2023</b>

---

**CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES**

	<b>GÈNE</b> Mutation	<b>Mode</b> <b>d'expression</b>	<b>RÉSULTAT</b>
Poil Bouclé ou Ondulé (c <sup>1</sup> )	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	<b>Non porteur (C/C)</b>
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	<b>Non porteur de polydactylie</b>
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	<b>Faible chute de poils</b>

---