

Animal : **Sia**

 N° d'identification : **250 269 608 904 535**

 Race : **Golden Retriever**

 Sexe : **Femelle**

 Date de naissance : **15/04/2021**

Pedigree :

 Résultat établi le : **31/03/2023**

 Propriétaire : **Frederic LECOMTE**

 N° de prélèvement : **E00844611** (prélevé le 15/03/2023)

 Code résultat : **A00030712**



 Préleveur : **Christophe DELERUE** (Vétérinaire - N° d'ordre : 10678)

 Prélèvement **authentifié**

 Document établi le : **31/03/2023**

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Atrophie Progressive de la Rétine					
APR-prcd	PRCD c.5G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
GR-PRA1	SLC4A3 c.2601_2602insC	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
GR-PRA2	TTC8 c.699delA	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Ichtyose (ICT-A)	PNPLA1 Indel dans l'exon 8	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Céroïde-Lipofuscinose Neuronale	CLN5 c.934_935delAG	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Dystrophie Musculaire de Duchenne (GRMD)	DMD A>G intron 6 splice acceptor site	Récessif lié à l'X	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Epidermolyse Bulleuse Dystrophique	COL7A1 c.5716G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Malformations Oculaires Congénitales	SIX6 c.487C>T	Autosomique dominant à pénétrance incomplète	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Neuropathie Ataxique Sensitive	tRNA-tyr c.5304delA	Transmission maternelle	<b>Monozygote normal</b>	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Syndrome Myasthénique Congénital	COLQ c.880G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓

EXPLICATIONS
<b>Homozygote normal</b> : l'animal possède 2 copies normales du gène.
<b>Hétérozygote</b> : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
<b>Homozygote muté</b> : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

EXPRESSION	TRANSMISSION
 L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
 L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.

Animal : **Sia**

N° d'identification :	<b>250 269 608 904 535</b>	Propriétaire :	<b>Frederic LECOMTE</b>
Race :	<b>Golden Retriever</b>	N° de prélèvement :	<b>E00844611</b> (prélevé le 15/03/2023)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00030712</b>
Date de naissance :	<b>15/04/2021</b>	Préleveur :	<b>Christophe DELERUE</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 10678)
Pedigree :			Prélèvement <b>authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>31/03/2023</b>	Document établi le :	<b>31/03/2023</b>

**CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES**

	<b>GÈNE</b> Mutation	<b>Mode</b> <b>d'expression</b>	<b>RÉSULTAT</b>
Poil Bouclé ou Ondulé (c <sup>1</sup> )	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	<b>Non porteur (C/C)</b>
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	<b>Non porteur de polydactylie</b>
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	<b>Chute de poils abondante</b>